

## ALO17 (ALK lymphoma oligomerization partner on chromosome 17)

### Identity

Location 17q25

### DNA/RNA

Transcription alternate spicing; 5185 and 5332 bp cDNA

### Protein

Description 1550 and 1599 amino acids if the sequence is complete; putative zinc finger in the N term, and AraC motif in the C term

### Implicated in

**Entity** [Anaplastic large cell lymphoma](#) (ALCL) with [t\(2;17\)\(p23;q25\)](#) --> [ALK-ALO17](#)

**Disease** ALCL are high grade non Hodgkin lymphomas; ALK+ ALCL are ALCL where ALK is involved in a fusion gene; ALK+ ALCL represent 50 to 60 % of ALCL cases (they are CD30+, ALK+); belong to the "cytoplasmic ALK+" subset.

**Prognosis** Although presenting as a high grade tumour, a 80% five yr survival is associated with this anomaly

**Hybrid/Mutated Gene** 5' ALO17 - 3' ALK

**Abnormal Protein** NH2 ALO17 - COOH ALK

### External links

#### Nomenclature

[GDB](#) [KIAA1618](#)  
[Entrez\\_Gene](#) [KIAA1618](#) [57714](#) [KIAA1618](#)

#### Cards

[Atlas](#) [ALO17ID480](#)  
[GeneCards](#) [KIAA1618](#)  
[Ensembl](#) [KIAA1618](#)  
[Genatlas](#) [KIAA1618](#)  
[GeneLynx](#) [KIAA1618](#)  
[eGenome](#) [KIAA1618](#)  
[euGene](#) [57714](#)

#### Genomic and cartography

[GoldenPath](#) [KIAA1618](#) - [17q25](#) [chr17:75849262-75909855](#) + [17q25.3](#) (hg18-Mar\_2006)  
[Ensembl](#) [KIAA1618](#) - [17q25.3](#) [[CytoView](#)]  
[NCBI](#) [Genes](#) [Cyto](#) [Gene Seq](#) [[Map View](#) - NCBI]

[HomoloGene](#) [KIAA1618](#)

### Gene and transcription

[Genbank](#) [AB046838](#) [ENTREZ]

[Genbank](#) [AF397204](#) [ENTREZ]

[Genbank](#) [AF397205](#) [ENTREZ]

[Genbank](#) [AK023113](#) [ENTREZ]

[Genbank](#) [AL832920](#) [ENTREZ]

[RefSeq](#) [NM\\_020954](#) [SRS] [NM\\_020954](#) [ENTREZ]

[AceView](#) [KIAA1618](#) AceView - NCBI

[TRASER](#) [KIAA1618](#) Traser - Stanford

[Unigene](#) [Hs.514554](#) [SRS] [Hs.514554](#) [NCBI] [HS514554](#) [spliceNest]

### Protein : pattern, domain, 3D structure

[SwissProt](#) [Q69YK7](#) [SRS] [Q69YK7](#) [EXPASY] [Q69YK7](#) [INTERPRO]

[CluSTr](#) [Q69YK7](#)

[Blocks](#) [Q69YK7](#)

[HPRD](#) [Q69YK7](#)

### Protein Interaction databases

[DIP](#) [Q69YK7](#)

[IntAct](#) [Q69YK7](#)

### Polymorphism : SNP, mutations, diseases

[SNP](#) [KIAA1618](#) [dbSNP-NCBI]

[SNP](#) [NM\\_020954](#) [SNP-NCI]

[SNP](#) [KIAA1618](#) [GeneSNPs - Utah] [KIAA1618](#) [HGBASE - SRS]

[HAPMAP](#) [KIAA1618](#) [HAPMAP]

### General knowledge

[Family Browser](#) [KIAA1618](#) [UCSC Family Browser]

[SOURCE](#) [NM\\_020954](#)

[SMD](#) [Hs.514554](#)

[SAGE](#) [Hs.514554](#)

[PubGene](#) [KIAA1618](#)

### Other databases

#### Probes

#### PubMed

[PubMed](#) [4 Pubmed reference\(s\) in LocusLink](#)

### Bibliography

**Identification of novel fusion partners of ALK, the anaplastic lymphoma kinase, in anaplastic large-cell lymphoma and inflammatory myofibroblastic tumor.**

Cools J, Wlodarska I, Somers R, Mentens N, Pedeutour F, Maes B, De Wolf-Peeters C, Pauwels P, Hagemeijer A, Marynen P.

Genes Chromosomes Cancer 2002; 34: 354-362.

Medline [12112524](#)

[REVIEW articles](#) *automatic search in PubMed*

[Last year publications](#) *automatic search in PubMed*

[BiblioGene - INIST](#)

**Contributor(s)**

**Written** 08-2003 Jean-Loup Huret, Sylvie Senon

**Citation**

*This paper should be referenced as such :*

**Huret JL, Senon S** . ALO17 (ALK lymphoma oligomerization partner on chromosome 17).

Atlas Genet Cytogenet Oncol Haematol. August 2003 .

URL : <http://AtlasGeneticsOncology.org/Genes/ALO17ID480.html>

*© Atlas of Genetics and Cytogenetics in Oncology and Haematology*

---